

**VII JORNADA URUGUAYA DE
FITOPATOLOGÍA Y
V JORNADA URUGUAYA DE
PROTECCIÓN VEGETAL**



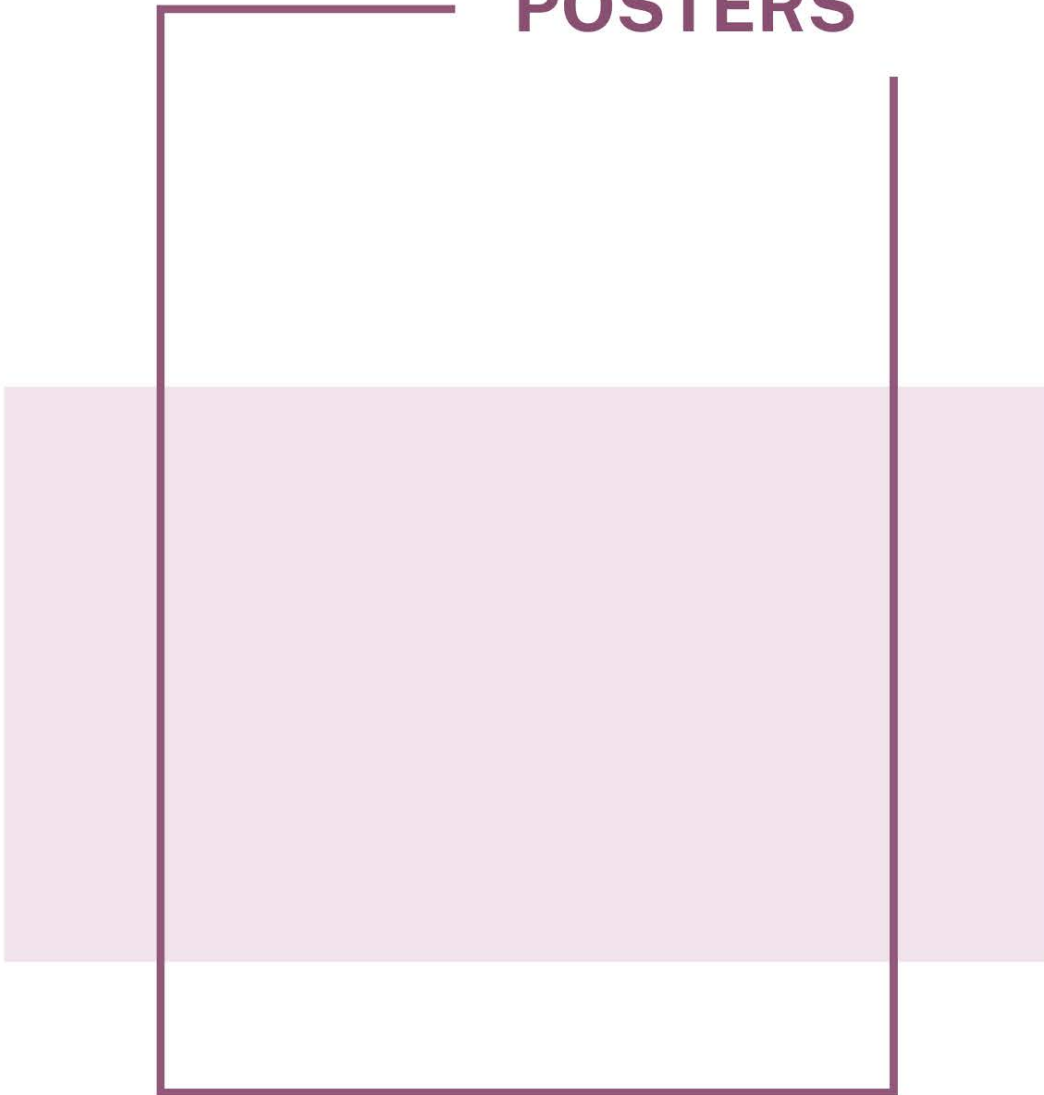
**DE LA
SOCIEDAD URUGUAYA DE
FITOPATOLOGÍA -
SUFIT**

www.sufit.org.uy



10 DE NOVIEMBRE 2023

POSTERS



P7 Evolución de la virulencia de la población de *Puccinia striiformis* f. sp. *tritici* en Uruguay

Riella, V.^{1,2}; Rodríguez-Algaba, J.³; García, R.¹; Pereira, F.¹; Silva, P.¹; Hovmøller, M.S.³; Germán, S.¹

¹Instituto Nacional de Investigación Agropecuaria (INIA), INIA La Estanzuela. Colonia, Uruguay; ²Departamento de Biometría, Estadística y Computación, Facultad de Agronomía, Universidad de la República, Montevideo, Uruguay;

³Department of Agroecology, Faculty of Technical Sciences, Aarhus University, Slagelse, Dinamarca

*e-mail: vriella@fagro.edu.uy

La roya estriada del trigo, causada por *Puccinia striiformis* f. sp. *tritici* (*Pst*), es una de las enfermedades más devastadoras del trigo a nivel mundial. Las poblaciones de *Pst* están compuestas por múltiples grupos genéticos, cada uno de los cuales porta una o más razas caracterizadas por diferentes combinaciones de avirulencia/virulencia. Desde las graves epidemias de 2017, la roya estriada se ha convertido en la enfermedad foliar del trigo de mayor importancia económica en Uruguay. En este trabajo se estudió la evolución de la virulencia de *Pst* a partir de datos genotípicos y fenotípicos de una muestra de 27 aislamientos colectados en Uruguay entre el 2017 y el 2021. Se identificaron tres grupos genéticos, *PstS7*, *PstS10* y *PstS13*, siendo este último el más prevalente. Dos razas previamente reportadas en Europa, Warrior (*PstS7*) y Benchmark (*PstS10*), fueron detectadas en cuatro y dos aislamientos, respectivamente. Una tercera raza conocida como Triticale2015 (*PstS13*), detectada por primera vez en Europa en 2015 y en Argentina en 2017, fue detectada en varias localidades. Dentro de este grupo genético también se identificó virulencia adicional a los genes *Yr3*, *Yr17*, *Yr25*, *Yr27* y *Yr32* en tres nuevas razas. La raza virulenta sobre *Yr25* sugiere virulencia adicional sobre *Yr3* en el grupo *PstS13*. Dicha virulencia adicional podría haber estado enmascarada por un tipo de infección baja conferido por el fenotipo *Avr25/Yr25* en ambas líneas diferenciales portadoras de *Yr3* cuando son infectadas por la raza *PstS13* original. La identificación de estas nuevas razas, que no han sido reportadas fuera de América del Sur, proporciona evidencia de la evolución local de la virulencia en *Pst* asociada a las severas epidemias registradas en los últimos años.

Financiamiento: Agencia Nacional de Investigación e Innovación de Uruguay (ANII), Convocatoria INNOVAGRO, proyecto FSA_1_2018_1_152918.